

## ROTEIRO PARA ELABORAÇÃO DO TRABALHO EM SISTEMÁTICA FILOGENÉTICA

**ESCOLHA UM PAPER, COM UM GRUPO TAXONÔMICO DA SUA PREFERÊNCIA (BUSCAR POR PALAVRAS-CHAVE NO GOOGLE ACADÊMICO). ENVIAR PARA O EMAIL DO PROFESSOR ([cjaeger@terra.com.br](mailto:cjaeger@terra.com.br)) PARA APROVAÇÃO. TRABALHAR COM BASE NO ROTEIRO ABAIXO, MAS NÃO HÁ NECESSIDADE DE SEGUIR AS QUESTÕES INTEGRALMENTE !!!**

1. Apresente os dados referenciais do trabalho.
2. A introdução é suficiente para compreender a taxonomia do grupo em questão? Em que nível hierárquico a problemática é apresentada (ordens, famílias, gêneros, espécies, etc.)?
3. No Material & Métodos (ou em anexo) está explícito quais os caracteres utilizados para construir o cladograma? Quantos são? Cite exemplos. (Há uso de evidência total?).
4. Ainda no M&M está indicado qual a técnica utilizada (Máxima Parcimônia, Probabilidade Máxima, Inferência Bayesiana, Agrupamento de Vizinhança)?
5. Qual o *out-group* (grupo-externo) escolhido? Estão explicitados os critérios para a sua escolha?
6. O *in-group* está bem definido? Quais são os grupos incluídos?
7. Qual o programa utilizado para rodar os dados?
8. Como é o cladograma de consenso (pode reproduzir). Qual o índice de consistência?
9. Existe descrição de novas espécies (ou outros táxons quaisquer)? Existem chaves dicotômicas de identificação?
10. É possível identificar grupos mono ou merofiléticos? Há alguma ‘surpresa’ nas relações filogenéticas que difira muito da sistemática clássica?
11. Como os autores lidam com as homoplasias (convergências e/ou reversões)?
12. Existem discussões importantes em nível biogeográfico, paleontológico ou ecológico? Algum destes pontos foi negligenciado? Porquê?
13. As conclusões são condizentes com os objetivos propostos no trabalho? Justifique.

14. O apêndice ou anexos do trabalho são informativo? Quais as informações relevantes contidas nele?